



LABORATORIO NACIONAL DE BIOTECNOLOGÍA AGRÍCOLA, MÉDICA Y AMBIENTAL

Camino a la Presa San José No. 2055 Col. Lomas 4a. Secc. C.P. 78216, San Luis Potosí, S.L.P; Tel. (444) 8-34-2000

Fax. (444) 8-34-20-10 Ext. 7287 y 7291



SERVICIO DE SECUENCIACIÓN

LANBAMA ofrece a todo el Sector Académico, Industrial y Público el servicio de Secuenciación de ADN de cadena doble (cd), cadena sencilla (cs) y/o producto de PCR sin clonar. Sin edición. Para ello cuenta con los equipos AB 3130 y 3500 que emplean la Técnica de Sanger y Tecnología capilar.

Es sumamente importante considerar que la asignación de bases depende de la calidad, Integridad y cuantificación de la muestra proporcionada. Las muestras procesadas se cobrarán independientemente del resultado.

REQUISITOS DE LA MUESTRA:

- Muestras a procesar en tubo rotulados en la tapa y lateral. Utilizar el mismo nombre asignado en la Solicitud y en el tubo.
- ADN liofilizado o diluido en agua desionizada estéril.

CONCENTRACIÓN MÍNIMA REQUERIDA:

MUESTRA A SECUENCIAR	CONCENTRACIÓN	VOLUMEN MÍNIMO REQUERIDO	OLIGO*
Producto de PCR o clona	50 ng/ μ l	20 μ l por muestra para secuenciar con un par de oligos	1 μ molar volumen requerido por muestra 8 μ l

*En caso de utilizar oligos diferentes a los que tiene LANBAMA

NOTA 1: Las muestras que contengan una concentración menor a la indicada, **no serán procesadas**.

NOTA 2: Favor de incluir en la solicitud **foto del gel de agarosa** que muestre banda única de cada una de las muestras a procesar.

CUANTIFICACION: Se recomienda verificar integridad de las muestras a procesar mediante la relación de Densidad Óptica 260/280 nm 1.8-2.0 y Gel de agarosa (ambas condiciones son importantes ya que el DNA puede tener contaminación de DNA genómico o RNA que afectan la A_{260} por lo que la concentración de su muestra será sobrestimada).

CALIDAD DE LA MUESTRA: Es sumamente importante enviar ADN de buena calidad, lo que generará una mayor cantidad de bases secuenciadas. Para productos de PCR es necesario purificar su muestra para eliminar nucleótidos y oligos no incorporados (Recomendamos QIAquick de QIAGEN o Wizard de PROMEGA), así como verificar que el producto de amplificación sea único. La cuantificación debe hacerse una vez que la muestra fue purificada.

OLIGOS:

LANBAMA cuenta con los siguiente Oligos:

KS- TCGAGGTCGACGGTATCG

T7- GCTAGTTATTGCTCAGCGGTG

M13 directo- (-40) GTTTCCCAGTCACGTTGTA

T7- TAATACGACTCACTATAGGG

M13 reverso- TTGTGAGCGGATAACAATTC

SK- CGCTCTAGAACTAGTGGATC

T3- CGCATTAAACCCTCACTAAAG

SP6- ATTTAGGTGACACTATAG

ITS1- TCCGTAGGTGAACCTGCGG

533F- GTG CCA GCM GCC GCG GTA A

ITS4- TCCTCCGCTTATTGATATGC

1391R- GAC GGG CGG TGT GTR CA

NOTA: Si requiere secuenciar con un Oligo diferente a los arriba mencionados, el usuario deberá proporcionarlo.



LABORATORIO NACIONAL DE BIOTECNOLOGÍA AGRÍCOLA, MÉDICA Y AMBIENTAL

Camino a la Presa San José No. 2055 Col. Lomas 4a. Secc. C.P. 78216, San Luis Potosí, S.L.P; Tel. (444) 8-34-2000

Fax. (444) 8-34-20-10 Ext. 7287 y 7291



LLENADO POR LANBAMA		
Fecha y hora de recepción de muestras:		
No. de solicitud:		
LLENADO POR DEL USUARIO		
Nombre:		
Institución:		
Dirección:	Ciudad:	C. P.
Número de muestras a secuenciar:	Total de secuencias:	
Correo electrónico (a quien se enviarán los resultados):		
Tel. (Ext.)		
Número de cotización:	Número de factura:	
FORMAS DE PAGO		
Centro de costos:		
En caso de tener depósito en LANBAMA indicar el número de factura o de vale de transferencia de recursos fiscales:		

DATOS DE LAS MUESTRAS A SECUENCIAR

Muestra(s) a Secuenciar			Tipo de Muestra			Vector de Clonación		Oligos del Cliente		Oligos universales de LANBAMA		Tamaño: Aprox. de la clona (pb)	Método de Purificación de la Muestra
										Fw	Rev		
No	Nombre: 4 a 6 caracteres (mismo que aparece en el tubo y solicitud)	Concentración (Volumen mínimo requerido 20 ul)	cs ¹	cd ²	PCR ³	Nombre	Tamaño (pb)	Nombre	Concentración	Fw	Rev		
1													
2													
3													
4													
5													
6													
7													
8													
9													
10													
11													
12													
13													
14													
15													

cs¹: DNA de cadena sencilla

cd²: DNA de cadena doble

PCR³: Producto de PCR sin clonar

Nombre y firma del Investigador:

CONDICIONES Y TERMINOS PARA SOLICITANTES:

- 1.-El horario para recepción de muestras es de 8 a 16:00 h.
- 2.-"El usuario" entregará sus muestras debidamente procesadas para su análisis.
- 3.- "El usuario" se compromete a identificar cada una de sus muestras.
- 4.- Concluido el análisis "el usuario" tendrá 5 días para recoger sus muestras, de lo contrario serán desechadas.
- 5.- Se enviarán resultados una vez efectuado el pago del servicio.